**Traçabilité changement doc Trait\_ENI\_baseflor\_try\_V1.2 et Appendix\_species\_list\_v1**

Changements pour permettre des jointures avec les données botaniques :

2 colonnes CHOROLOGIE , j’ai renommé celle avec le plus de valeurs CHOROLOGIE2

(**Trait\_ENI\_baseflor\_try\_V1.2)**

Problème avec les espèces donc le nom est en majuscule, empêche la jointure : je les ai ré écrit en format Genre espèce et plus GENRE ESPECE pour :

Lysimachia foemina

Fumaria gaillardotii

Poterium sanguisorba

Malva multiflora

Trifolium scabrum

Vicia hybrida

Viola arvensis

Problème pour l’espèce Linum usitatissimum subsp. Angustifolium qui est seulement Linum usitatissimum dans les données ENI. J’ai ajouté une ligne copiée collée de celle de Linum usitatissimum subsp. Angustifolium mais avec comme valeur dans ID\_ENI Linum usitatissimum

Problème pour l’espèce Schedonorus arundinaceus qui est Schedonorus arundinaceus gpe dans les données ENI. J’ai ajouté une ligne copiée collée de celle de Schedonorus arundinaceus mais avec comme valeur dans NOM\_ENI Schedonorus arundinaceus gpe

(**Trait\_ENI\_baseflor\_try\_V1.2 et Appendix\_species\_list\_v1**)